

## BON DE PRESCRIPTION ET TRANSPORT D'EXAMEN DE PATHOLOGIE MOLECULAIRE

### Hôpital Universitaire Ambroise Paré

9 Avenue Charles de Gaulle – 92104 Boulogne Cedex

**Service de Pathologie - Chef de Service : Pr J.F. Emile – Tel secrétariat : 01 49 09 57 28**

### ANALYSES DE PATHOLOGIE MOLECULAIRE

Toutes ces analyses concernent la détection d'altération dans l'ADN tumoral.

Elles sont réalisées, sauf exception, à partir de blocs de tissus tumoraux fixés et inclus en paraffine.

Pour chaque type tumoral, l'analyse est précédée d'un contrôle histologique, et est réalisée en 2 étapes :

- 1) recherche des mutations les plus fréquentes,
- 2) puis, et seulement en cas de négativité, recherche des mutations rares par NGS \*

Il est possible, si le clinicien en fait la demande, de réaliser directement l'analyse NGS (sans la première étape).

### FACTURATION

Pour les demandeurs hors APHP, une facturation sera établie à l'ordre de l'établissement de santé dans lequel le médecin prescripteur traite le patient. Ces informations doivent donc impérativement figurer sur toutes les demandes.

La facturation inclura la sélection de la zone à analyser (N500), puis sera établie comme suit :

- si seule la première étape est réalisée, c'est elle qui sera facturée (au moins 2 fois moins chère que le NGS)
- si un NGS est réalisé, seul celui-ci sera facturé (la première étape est annulée)

Pour information, valorisation des actes hors CCAM en 2017-2018 :

Actes RIHN N452 : 882,9 €

Actes de la liste complémentaire : N500 : 56 €, N501 : 116,1 €, N506 : 162 €, N508 : 315,9 €, N523 : 40,1 €, N525 : 329,4 €

\* NGS : séquençage massif parallèle. Notre panel couvre les gènes suivants : *AKT1, ALK, ARAF, ASXL1, BRAF, CARL, CBL, CDK4, CDKN1B, CDKN2A, CEBPA, CSF3R, CTNNB1, DNMT3A, EGFR, ETV6, EZH2, FLT3, GATA2, GNA11, GNAQ, GNAS, HERC1, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, KTM2D, MAML3, MAML1, MAP2K1, MAP2K2, MAP2K3, MAP2K4, MAP2K6, MAP3K1, MAP3K8, MAP3K9, MAP3K10, MAP3K19, MAP4K4, MAPK1, MAPK11, MAPK9, MPL, NF1, NOTCH1, NOTCH2, NPM1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PPP6C, PTEN, PTPN11, RAC1, RAF1, RIT1, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, STK19, SYNGAP1, TAOK1, TAOK2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2*, et est réalisé indépendamment dans les 2 sens

Bon de commande à remplir au Verso

## BON DE PRESCRIPTION ET TRANSPORT D'EXAMEN DE PATHOLOGIE MOLECULAIRE

**Hôpital Universitaire Ambroise Paré**

9 Avenue Charles de Gaulle – 92104 Boulogne Cedex

**Service de Pathologie - Chef de Service : Pr J.F. Emile – Tel secrétariat : 01 49 09 57 28**

PATIENT (remplir ou coller étiquette)	PRESCRIPTEUR (INDISPENSABLE)
Nom d'usage : Nom de naissance : Prénom : Date de naissance : Sexe : <input type="checkbox"/> Féminin <input type="checkbox"/> Masculin	Nom du prescripteur : Etablissement de santé * : N° FINESS : Date de prescription : N° du bon de commande : * La facturation sera établie à l'ordre de l'établissement de santé dans lequel le médecin prescripteur traite le patient
MATERIEL TRANSMIS (joindre une copie du CR original d'anatomie pathologique)	TRANSPORT
Date et heure de prélèvement : Référence dans le labo d'origine : Nature de l'échantillon et nombre : <input type="checkbox"/> Bloc(s) paraffine ( <b>recommandé</b> ) : <input type="checkbox"/> Bloc congelé : <input type="checkbox"/> Autre (Préciser) :	Date de départ : Transporteur : <input type="checkbox"/> Poste - Préciser le type d'envoi : <input type="checkbox"/> Autre. Préciser : Température de transport : <input type="checkbox"/> Température ambiante <input type="checkbox"/> Dans la glace <span style="float: right;"><input type="checkbox"/> Carboglace</span>
ANALYSES DEMANDEES	
<input type="checkbox"/> <b>CCR</b> Recherche de mutations activatrices des gènes <i>KRAS</i> , <i>NRAS</i> , <i>BRAF</i> , <i>PI3KCA</i> et <i>EGFR</i> Méthodes : Etape 1 : Recherche de mutations de <i>KRAS</i> par test Idylla (cotation N500+N523) Etape 2 (si négatif soit environ 60%) : Analyse NGS (N500+N452)	
<input type="checkbox"/> <b>Mélanomes</b> Recherche de mutations activatrices des gènes <i>BRAF</i> , <i>NRAS</i> , <i>KRAS</i> , <i>KIT</i> et gènes de la voie des MAPkinases Méthodes : Etape 1 : Recherche des mutations <i>BRAF</i> <sup>V600</sup> et <i>NRAS</i> <sup>Q61</sup> par pyroséquençage (cotation N500+N525) Etape 2 (si négatif soit environ 40%) : Analyse NGS (N500+N452)	
<input type="checkbox"/> <b>Tumeur stromale gastro-intestinale (GIST) ou tumeur mésoenchymateuse abdominale</b> Recherche de mutations activatrices des gènes <i>KIT</i> , <i>PDGFRA</i> , <i>BRAF</i> ou <i>CTNNB1</i> Méthodes : Etape 1 : Recherche de mutation des exons 9 et 11 de <i>KIT</i> et 18 de <i>PDGFRA</i> par LAPP et Sanger (cotation N500+N508 ou N500+N506) Etape 2 (si négatif soit environ 30%) : Analyse NGS (N500+N452)	
<input type="checkbox"/> <b>Histiocytoses</b> Recherche de mutations activatrices de <i>BRAF</i> <sup>V600</sup> et de gènes de la voie des MAPkinases, et/ou de mutation des gènes de contrôle épigénétique impliqués dans les myéloproliférations Méthodes : Etape 1 : Recherche des mutations <i>BRAF</i> <sup>V600</sup> par PCR temps réel (cotation N500+N501) Etape 2 (si négatif soit environ 50%) : Analyse NGS (N500+N452)	
<input type="checkbox"/> <b>Statut MSI</b>	
<input type="checkbox"/> <b>Autre tumeur</b> : nous contacter	
COMMENTAIRES	
RECEPTION (réservé au LPAP)	
Date de réception : Visa : <input type="checkbox"/> Conforme aux indications de l'expéditeur <input type="checkbox"/> Non conforme aux indications de l'expéditeur. Préciser :	N° enregistrement :